合浦珠母贝基质蛋白 KRMP-3 对二价金属离子选择性的研究

吴 晨,苏境坦,梁 健,梁 晓,谢莉萍,张荣庆

(清华大学 生命科学学院, 北京 100084)

摘要:用大肠杆菌表达含有 GST 标签的基质蛋白 KRMP-3。利用圆二色谱(Circular Dichroism, CD)研 究不同浓度钙离子和镁离子对基质蛋白 KRMP-3 二级结构的影响。结果表明,钙离子对其二级结构的 变化远大于镁离子;同时,采用荧光淬灭法研究 KRMP-3 对钙,镁,锶,钡等二价金属离子的选择性, 结果表明,KRMP-3 对钙离子有特异性选择性,钙离子与 KRMP-3 的结合常数 K 约为 10³ L/mol,结合位 点数 n 近似为 1,表明 KRMP-3 与钙离子的结合能力适中,推测基质蛋白 KRMP-3 对合浦珠母贝 (*Pinctada fucata*)棱柱层形成起到促进作用。

关键词: 生物矿化; 基质蛋白 KRMP-3; 圆二色谱 CD; 荧光淬灭法; 离子选择性 中图分类号: Q518 文献标识码: A 文章编号: 1000-3096(2013)04-0026-06

合浦珠母贝(*Pinctada fucata*)的贝壳分为角质 层、棱柱层和珍珠层^[1], 是典型的生物矿化产物。虽 然棱柱层和珍珠层的组成成分都以碳酸钙为主(大于 95%), 不同的是, 棱柱层中的碳酸钙晶体为方解石, 而珍珠层中则主要是文石。这种构成上的差异主要 是由于贝壳中不同矿化蛋白所致。虽然基质蛋白只 占钙化层总重量的 5%, 但其对生物矿化却起到非常 重要的作用。

基质蛋白按其去矿化溶液中的溶解性来分,可 分为可溶性基质蛋白(soluble matrix protein)和不可 溶性基质蛋白(insoluble matrix protein),按其等电点 来分又可分为极酸性基质蛋白(等电点小于 4.5),中 度酸性基质蛋白(等电点为 4.5 ~ 7)和碱性基质蛋白 (等电点大于 7)^[2]。已知的合浦珠母贝基质蛋白多为 酸性的(Nacrein, Prismalin-14, MSI7 等),碱性基质蛋 白知之甚少。

KRMP-3 基因是从合浦珠母贝外套膜组织中克 隆得到的^[3],免疫荧光实验表明,KRMP-3 蛋白分布 于棱柱层中。体外碳酸钙结晶实验结果表明,其能使 文石体系结晶出的碳酸钙晶貌发生改变,同时出现 了少量的方解石小颗粒,故推测其很可能诱导棱柱 层中方解石的形成^[6]。

本实验拟在此研究基础上, 探究 KRMP-3 基质 蛋白诱导方解石形成的机制, 利用圆二色谱和荧光 光谱的方法, 探究 KRMP-3 基质蛋白对不同二价离 子的选择性, 从而初步解释其能够参与生物矿化的 原因。圆二色谱是研究蛋白二级结构的常用手段^[4]。 荧光淬灭法也是研究生物大分子与外界离子相互作 用的常用方法之一^[5],通过荧光淬灭法计算出离子 与蛋白的结合常数*K*以及结合位点数*n*,据此分析蛋 白与离子结合能力的强弱,从而探究基质蛋白在矿 化过程中可能起到的作用。

1 材料与方法

1.1 基质蛋白 KRMP-3 的表达与纯化

利用大肠杆菌 BL21 表达含有 GST 标签的 KRMP-3 蛋白^[6]。其中 *KRMP-3* 基因是张岑于 2006 年从合浦珠母贝外套膜组织中克隆得到的, 表达载 体为 pGEX-4T-1(Novagen), 培养基采用含有氨苄 (100 mg/L)的 LB 培养基, IPTG 浓度为 1mmol/L, 诱 导温度为 16°C, 诱导时间为 30 h。重组蛋白的纯化 按 GST Gene Fusion System Handbook(Amersham Bioscience)中的方法进行操作, 采用 GSTrapTM FF (GE Healthcare)柱进行分离纯化, 其中上样 buffer 为 50 mmol/L Tris-HCl, 200 mmol/LNaCl, pH 8.0, 洗脱 buffer 为 50 mmol/L Tris-HCL(pH 8.0), 并在其中加 入 10 mmol/L 还原性谷胱甘肽(GSH), 脱盐 buffer 为

海洋科学 / 2013 年 / 第 37 卷 / 第 4 期

收稿日期: 2012-04-20; 修回日期: 2012-07-21

基金项目: 国家自然科学基金项目(U0831001)

作者简介: 吴晨(1986-), 男, 北京人, 硕士研究生, 主要从事合浦珠母贝 基质蛋白方面研究, 电话: 13401069783, E-mail: deshechin@sina.com; 谢 莉萍, 通信作者, E-mail: lpxie@mail.tsinghua.edu.cn

10 mmol/LTris-HCl(pH 8.0), 蛋白的分离纯化均用 AKATA 完成。最后利用试剂盒 BCA Protein Assay Kit(Pierce)测量蛋白浓度。

1.2 圆二色谱实验方法

利用 Jasco J-715 型圆二色谱仪^[7]研究钙, 镁离 子对基质蛋白 KRMP-3 二级结构的影响。将 200 μL 含 GST 标签的 KRMP 蛋白加入到 1 mmol/L 比色皿 中,通过圆二色谱仪测其 Cd 值。之后,分别加入 1 mol/L 的 CaCl₂ 溶液 0.2 μL(钙离子终浓度为 1 mmol/L), 1 mol/L 的 CaCl₂ 溶液 2.0 μL(钙离子终浓 度为 10 mmol/L), 1 mol/L 的 MgCl₂ 溶液 0.2 μL(镁离 子终浓度为 1 mmol/L), 1 mol/L 的 MgCl₂ 溶液 0.2 μL(镁离 子终浓度为 1 mmol/L), 1 mol/L 的 MgCl₂ 溶液 2.0 μL (镁离子终浓度为 10 mmol/L), 通过圆二色谱仪分别 得到其圆二色谱,通过比较来分析其二级结构的变 化。其中 J-715 型圆二色谱工作参数为:波长范围 190~250 nm(有效波长 200~250 nm), 25°C,比色皿光 径 1 mm,分辨率 0.2 nm,扫描速率 100 nm/min,扫 描 3 次取平均值。

1.3 荧光淬灭法

用 F-4500 FL Spectrophotometer 研究不同浓度, 不同二价金属离子对 KRMP-3 的影响,根据其荧光 淬灭程度分析 KRMP-3 的离子选择性。将 200 μL 含 GST 标签的 KRMP 蛋白加入到荧光杯中,测其荧光 强度,之后在蛋白中加入 1 mol/LCaCl₂溶液,每次加 0.2 μL,共加 6 次,并逐一测其荧光强度,即可分别 得到含不同浓度钙离子(1~6 mmol/L)的 KRMP-3 的 荧光光谱。同样方法,将氯化钙溶液换成氯化镁,氯 化锶,氯化钡,即可得到含不同浓度镁,锶,钡的 KRMP-3 的荧光光谱。其中 F-4500 FL Spectrophotometer 的工作参数为: 波长扫描荧光发射谱,激发 波长为 280 nm,扫描范围 300~400 nm,扫描速率 1 200 nm/min,激发狭缝和发射狭缝宽度为 10 nm, 电压 400 V,反应时间 2.0 s。

2 结果与分析

2.1 基质蛋白 KRMP-3 的表达结果

用表达纯化获得的重组蛋白进行 SDS 电泳,在 36 kD 处可以看到一条清晰的电泳条带(图 1)。由于 KRMP-3 的预测分子质量为 9.8 kD,GST 标签约为 26 kD,故目标蛋白带GST 标签的 KRMP-3 分子质量 约为 36 kD,即图中箭头所指位置。应用 BCA 法测 得蛋白浓度约为 0.47 g/L。



- 图 1 用大肠杆菌表达含 GST 标签的 KRMP-3 蛋白的 SDS-PAGE 电泳图
- Fig. 1 SDS-PAGE of KRMP-3 protein with GST expressed by *E.coli* M.marke
- 1. 表达纯化得到的 KRMP-3 蛋白, 分子质量约为 36kD

M. marker; 1. KRMP-3 protein, the molecular weight is about 36kD

2.2 钙, 镁离子对基质蛋白 KRMP-3 二级 结构的影响

已有实验结果显示^[6],在文石结晶体系(含钙, 镁离子)中加入高浓度 KRMP-3 蛋白时, 会产生少量 的方解石。为了确认哪种离子起到主要作用,本实验 利用圆二色谱来研究其与 KRMP-3 相互作用的情况, 并采用 GST 蛋白(0.34 g/L)作为空白对照。图 2 中显 示的是在 KRMP-3 蛋白及 GST 蛋白溶液中分别加入 1 mmol/L 钙离子和 10 mmol/L 钙离子时的圆二色谱 图。由图中可以看到, 当加入钙离子之后, 蛋白质的 CD 值发生了明显的变化、尤其当加入高浓度钙离子 时, 蛋白质的 CD 值变化也极为明显。圆二色谱图可 以反映蛋白的二级结构, CD 值变化大说明其二级结 构改变较大。从 KRMP-3 的圆二色谱图的变化可以 看到, 钙离子的加入明显影响了 KRMP-3 的二级结 构, 表明钙离子与 KRMP-3 蛋白很可能发生相互作 用。相反、镁离子对 KRMP-3 蛋白的圆二色谱图却没 有影响(图 3)。从对照组可以看到,无论加入钙离子 还是镁离子、其对 GST 蛋白的圆二色谱图都基本没 有改变。由此可以说明,钙离子可能同 KRMP-3 蛋白 发生相互作用,从而改变其二级结构。

2.3 荧光淬灭法研究 KRMP-3 蛋白的离子 选择性

圆二色谱实验显示了 KRMP-3 蛋白对钙离子具 有结合能力,为了进一步确认其对钙离子是不是具 有选择性,本文另外选取了与钙同族的镁,锶,钡等





Fig. 2 Effect of different concentrations of Ca ion on the secondary structure of KRMP-3 protein and GST





二价金属离子作为淬灭剂,利用荧光淬灭法研究 KRMP-3 蛋白对离子的选择性。

生物大分子含有荧光基团(KRMP-3 中主要是 色氨酸),加入外界离子后可能发生荧光淬灭现象, 这种现象可以间接说明蛋白与离子相互作用的强 弱^[5]。图 4~图 7 分别显示了在 KRMP-3 蛋白溶液中 加入了不同浓度的钙,镁,锶,钡离子后荧光淬灭 程度的变化。从图中可以清楚地看到,在加入了一 系列浓度梯度的钙离子后,KRMP-3 的荧光强度发 生了显著的淬灭现象,且其峰值随着浓度的增加 有规律的递减;而加入镁,锶,钡等离子后,虽然 也发生了小幅度的荧光淬灭,但其淬灭程度要小 于钙离子,且其峰值并没有出现规律性的递减。对 照组为 GST 蛋白的荧光光谱图,从图中可以看到, 当加入钙,镁,锶,钡离子后,其荧光强度基本不 发生变化,说明前面的荧光淬灭是由 KRMP-3 蛋白 引起的,钙离子更容易与 KRMP-3 蛋白结合,从而 使得荧光强度降低。由此可见,KRMP-3 蛋白确实 更"偏爱"于钙离子。结合圆二色谱的实验结果,我 们发现,钙离子对 KRMP-3 的结构影响要大于其他 离子,说明 KRMP-3 对钙离子可能具有一定的选择 性。

2.4 KRMP-3 蛋白与钙离子结合常数 K和 结合位点数 n 的计算

为了确认 KRMP-3 与钙离子结合能力的强弱, 本实验对钙离子结合常数 K 和结合位点数 n 进行了 计算。荧光淬灭的机理可以分为动态淬灭和静态淬 灭^[8-9]。动态淬灭遵循 Stern-Volmer 方程: $I_0/I=1+K_q\tau_0$ [Q]=1+ K_{sv} [Q]。其中 I_0 和 I 分别表示未加入淬灭剂(本 实验中的二价离子)和加入淬灭剂之后的荧光强度, [Q]表示淬灭剂浓度, K_q 为双分子淬灭过程速率常数, τ_0 为无淬灭剂时的分子平均寿命, K_{sv} 为 Stern-Volmer 淬灭常数。由此可见, 假设钙离子使 KRMP-3 蛋白发 生荧光淬灭是由动态淬灭引起的,那么 *I*₀和 *I* 比值会 和钙离子浓度成正比,故选取波长为 346 nm 的荧光 强度,以钙离子浓度为横坐标,荧光强度比值为纵 坐标作图,得到图 8。



图 4 含有不同浓度钙离子的 KRMP-3 蛋白及 GST 的荧光光谱





图 5 含有不同浓度镁离子的 KRMP-3 蛋白及 GST 的荧光光谱

Fig. 5 The fluorescence spectra of KRMP-3 protein and GST with different concentrations of Mg ion





Marine Sciences / Vol. 37, No. 4 / 2013



图 7 含有不同浓度钡离子的 KRMP-3 蛋白及 GST 的荧光光谱 Fig. 7 The fluorescence spectra of KRMP-3 protein and GST with different concentrations of Ba ion



图 8 动态淬灭拟合曲线 Fig. 8 The fitting curve of dynamic quenching

由图中拟合的线性方程可以得到 K_{sv} 为 305.9 L/mol, 而生物大分子理论最大值 K_{sv} 是小于 100 L/mol 的, 故可认为由钙离子导致的荧光淬灭不是动态淬灭, 而是由静态淬灭。

仿照文献^[10-11]中的方法来计算结合常数 *K* 和结 合位点数 *n*。假设游离的 KRMP-3 蛋白的浓度为[P], 淬灭剂钙离子的浓度为[Q],假设蛋白与钙离子有 n 个独立的结合位点,则当加入钙离子之后,蛋白与 n 个钙离子形成蛋白复合体,即 *QnP*,其结合常数

K=[QnP]/[Q]n[P] (1)
设加入钙离子后,蛋白的总浓度为[P₀],即
[P₀]=[P]+[QnP],由于蛋白的摩尔浓度远小于钙离子,故平衡时钙离子的浓度近似等于初始浓度,因此(1)
式可改写为

K=([P₀]-[P])/[Q]n[P] (2)
在静态淬灭中,由于生成的配合物是非荧光性的,

故荧光强度与溶液中游离的蛋白质浓度成正比。即

$$\lg(I_0/I-1) = \lg K + n \lg[Q] \tag{4}$$

从(4)中可以看到, $lg(I_0/I-1)$ 和 lg[Q]成线性关系, 以 lg[Q]为横坐标, $lg(I_0/I-1)$ 为纵坐标作图, 可以得到 图 9。

由图中拟合的线性方程可以得知, $n\approx 1.23$, $K\approx 10^3$ L/mol, $R^2=0.997$ 。





3 讨论

KRMP-3 是位于合浦珠母贝棱柱层的一种碱性 基质蛋白,圆二色谱和荧光光谱的实验结果显示了 KRMP-3 对钙离子具有选择性。利用方程计算得到 KRMP-3 与钙离子的结合位点数近似为 1,结合常数 约为 10³ L/mol,说明 KRMP-3 与钙离子的结合程度

海洋科学 / 2013 年 / 第 37 卷 / 第 4 期

并不是很强,这或许可以解释 KRMP 在贝体内的生 理功能。这种与钙离子中等的结合强度使得 KRMP-3 既可以从海水中特异性地捕捉钙离子,又可以在一 定条件下释放出所结合的钙离子以促进碳酸钙方解 石晶体的形成,从而从结构方面说明了 KRMP-3 是 有可能参与棱柱层的形成的。

此外, 实验结果显示, KRMP-3 对钙离子是具有 明显的选择性的。当碳酸钙结晶体系中的镁离子含 量达到一定程度时, 结晶出来的碳酸钙晶体是文石, 而在海水中钙, 镁离子都存在的条件下, 贝壳中的 棱柱层依然能形成这种棱柱状的方解石晶体, 这很 有可能是棱柱层存在着一些蛋白, 他们能特异性的 识别钙离子, KRMP-3 就很有可能具有这种功能。有 结果显示^[6], 当在含有镁离子的碳酸钙结晶体系中 加入 KRMP-3 时, 文石的晶貌会出现明显的变化, 同时还有少量小颗粒的方解石产生。而本实验显示 的 KRMP-3 对钙离子的选择性可以初步解释这种现 象。

根据上述实验结果推测, KRMP-3 之所以具有调 节棱柱层中方解石形成的作用原因在于 KRMP-3 对 钙离子的选择性, 它能够特异地捕捉海水中的钙离 子, 将其"搬运"到贝壳中, 并在合适的条件下释放 出钙离子, 使在棱柱层形成的微区间内形成一个类 似于方解石形成的体系(无镁), 从而诱导方解石的 形成。

参考文献:

- Addadi L, Weiner S. Biomineralization: A pavement of pearl [J]. Nature, 1997, 389(6653): 912-915.
- [2] Marin F, Luquet G, Marie B, et al. Molluscan shell proteins: primary structure, origin, and evolution [J]. Curr Top Dev Biol, 2008, 80: 209-276.
- [3] Zhang C, Zhang R. Matrix proteins in the outer shells of molluscs [J]. Mar Biotechnol (NY), 2006, 8(6): 572-586.
- [4] 赵南明,周海梦.生物物理学[M].北京:高等教育 出版社,2000.
- [5] 丘冠英, 彭银祥.生物物理学[M]. 武汉: 武汉大学出 版社, 2000.
- [6] 梁健. 合浦珠母贝基质蛋白 KRMP-3 的功能研究 [D]. 北京:清华大学,2009.
- [7] Wang Q, Zhang R. The extra C-terminal tail is involved in the conformation, stability changes and the N/C-domain interactions of the calmodulin-like protein from pearl oyster Pinctada fucata [J]. BBA-Proteins and Proteomics, 1784(11): 1514-1523.
- [8] 陈国珍. 荧光分析法(第二版)[M]. 北京: 科学出版 社, 1990.
- [9] 郭兴家. 荧光猝灭法研究胆红素与牛血清白蛋白的 相互作用[J]. 分析实验室, 2007, 26(4): 11-15.
- [10] 吴文华,赵妍,曹燚.荧光猝灭法对葫芦巴碱与人血 清白蛋白间相互作用的研究[J].中医药学报,2010, 36(8): 57-59.
- [11] WangY P, Wei Y L, Chuan D. Study on the interaction of 3,3-bis (4-hydroxy-1-naphthyl)-phthalide with bovine serum albumin by fluorescence spectroscopy[J]. Journal of Photochemistry and Photobiology A: Chemistry, 2006, 177(1): 6-11.

Ionic selectivity of KRMP-3, a shell matrix protein of *Pinc-tada fucata*

WU Chen, SU Jing-tan, LIANG Jian, LIANG Xiao, XIE Li-ping, ZHANG Rong-qing (School of Life Science, Tsinghua University, Beijing 100084, China)

Received: Apr., 20, 2012

Key words: Biomineralization; matrix protein KRMP-3, Circular dichroism; fluorescence quenching; ionic selectivity

Abstract: KRMP-3 with GST-tag is expressed in *Escherichia coli*. Using Circular dichroism (CD), we have studies the changes of KRMP-3 secondary structure with concentrations of calcium and magnesium ions, and we found that calcium ion has much stronger effect than magnesium ions. Moreover, we also studied ionic selectivity of KRMP-3 using fluorescence quenching method with Ca^{2+} , Mg^{2+} , Sr^{2+} and Ba^{2+} , and we found that KRMP-3 has very high selectivity towards calcium ion. The static quenching constant K=10 ³L/mol and the binding sites number n=1, suggesting KRMP-3 has a moderate binding capacity with calcium ion. We speculate KRMP-3 could promote the formation of the *Pinctada fucata* prismatic layer.